pH-rpl29-B

Plasmid Bluescript KS+ with 330 bases of HHFI promoter starting at 712, rpL29 starts at 1044, and BTU2 termination region at 1494. Cassette inserted at EcoRI site, lost Hind III site and surrounding bases. Gives cycloheximide resistance

1 AAATTGTAAACGTTAATATTTTGTTAAAATTCGCGTTAAATTTTTGTTAAATCAGCTCAT

61 TTTTTAACCAATAGGCCGAAATCGGCAAAATCCCTTATAAATCAAAAGAATAGACCGAGA

121 TAGGGTTGAGTGTTGTTCCAGTTTGGAACAAGAGTCCACTATTAAAGAACGTGGACTCCA

181 ACGTCAAAGGGCGAAAAACCGTCTATCAGGGCGATGGCCCACTACGTGAACCATCACCCT

241 AATCAAGTTTTTTGGGGTCGAGGTGCCGTAAAGCACTAAATCGGAACCCTAAAGGGAGCC

301 CCCGATTTAGAGCTTGACGGGGAAAGCCGGCGAACGTGGCGAGAAAGGAAGGGAAGAAAG

361 CGAAAGGAGCGGGCGCTAGGGCGCTGGCAAGTGTAGCGGTCACGCTGCGCGTAACCACCA

421 CACCCGCCGCGCTTAATGCGCCGCTACAGGGCGCGTCCCATTCGCCATTCAGGCTGCGCA

481 ACTGTTGGGAAGGGCGATCGGTGCGGGCCTCTTCGCTATTACGCCAGCTGGCGAAAGGGG

541 GATGTGCTGCAAGGCGATTAAGTTGGGTAACGCCAGGGTTTTCCCAGTCACGACGTTGTA

601 AAACGACGGCCAGTGAATTGTAATACGACTCACTATAGGGCGAATTGGAGCTCCACCGCG

661 GTGGCGGCCGCTCTAGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGGAATTCGACCATATCTTCA

721 AAGTATGGATTAATTATTTCAAATTATTAGAAGGTAATTAATCTGCATAAATTCAAAACT

781 ATAAAAATAAAACATTAAAATTAATTCAACCTTATTGAAGCATCAAAATCTGAATCTCTA

841 GAAAGACTGATTCTGATTGGATAATTTTTCGGCGCTAAGGATTTTGGATTAAAGAAAATT

901 AGATTTAATTATTAATCATGATTTGAATAGGATAGCAAGAATATTTGTTTGGTTTAAAAG

961 GGAAAGCGGGTAATTATCAAAAATTTATAAATAATTTTAAAACAATAAATAGAAAAACAA

1021 ATAAGATTATAAAAACTTACAAAAATGGTATCTCACTTAAAGAAGACTAGAAAGTTGAGA

1081 GGTCACGTCTCTCACGGTCACGGTAGAGTCGGAAAGCACAGAAAGGGTGGTTGCAGAGGT

1141 GGTCGTGGTAAGGCCGGTGGTAAGCATCATCACAGAATCTTGATGGAAAAGTGGCATCCT

1201 GGCTACTACGGAAAGTTGGGTATGAGAACCTTCCACTTAAAGAAGAACCCTCTCCACTGC

1261 CCCGTTGTTAATATCGACAAGCTCTGGAGTTTGGTTTCTGATGCTACCAGACAAAAGTAC

1321 GCTGAAGATAAGAAGAAGGTCCCCGTTATTGATGTTACCAAGGCTGGTTTCTTCAAGGTT

1381 TTGGGTAAGGGTAGACTCCCCAACCAACCTGTCGTTGTTAAGGCTAAATACTTCTCCAAG

1441 ACTGCTGAAAGAAGAATCGTCGCTGTCGGTGGTGCTTGCGTCCTCACTGCTTGAGATCCT

1501 TAAATTAAAAATTCAATATATATTTTACAAACTTTCATATAAAATAAATATATTATATAA

1561 AATTAATTTTTAGTGTATTATATTAACATTAAAGCACCAAAAAAACGTGTTAATATACTA

1621 CTATAAAATATAATTTATTCCAAATTGACTAAAATCATTATTTTACAACTCATTTGTATA

1681 TATATTTTATGTCAATTATTTTTTTTAACTTTCTAAAAAAAAAAATTCCTCTTCACATAC

1741 ATGTTAGCTCTTAAAAATTTGTCTGCAAATCCAATAATAATATTTTTTTTTGCCATTAAA

1801 TTTTCAAATTTTTACTGGAAAAATGCAGCCCTCAACGTTATCGATACCGTCGACCTCGAG

1861 GGGGGGCCCGGTACCAGCTTTTGTTCCCTTTAGTGAGGGTTAATTTCGAGCTTGGCGTAA

1921 TCATGGTCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATA

1981 CGAGCCGGAAGCATAAAGTGTAAAGCCTGGGGTGCCTAATGAGTGAGCTAACTCACATTA

2041 ATTGCGTTGCGCTCACTGCCCGCTTTCCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTAA

2101 TGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTGCGTATTGGGCGCTCTTCCGCTTCCTCG

2161 CTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTTCGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAG

2221 GCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAA

2281 GGCCAGCAAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTC

2341 CGCCCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACA

2401 GGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCG

2461 ACCCTGCCGCTTACCGGATACCTGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCT

2521 CATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGT

2581 GTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCGACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAG

2641 TCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAACAGGATTAGC

2701 AGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTACGGCTAC

2761 ACTAGAAGGACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAAGA

2821 GTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTGTTTGC

2881 AAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACG

2941 GGGTCTGACGCTCAGTGGAACGAAAACTCACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCA

3001 AAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTAAATTAAAAATGAAGTTTTAAATCAATCTAAAGT

3061 ATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCA

3121 GCGATCTGTCTATTTCGTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACG

3181 ATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCA

3241 CCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGT

3301 CCTGCAACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAGTAAGT

3361 AGTTCGCCAGTTAATAGTTTGCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCA

3421 CGCTCGTCGTTTGGTATGGCTTCATTCAGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACA

3481 TGATCCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCTTCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGA

3541 AGTAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCATAATTCTCTTACT

3601 GTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTCTGA

3661 GAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATACGGGATAATACCGCG

3721 CCACATAGCAGAACTTTAAAAGTGCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTC

3781 TCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGA

3841 TCTTCAGCATCTTTTACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAAT

3901 GCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACTCATACTCTTCCTTTTT

3961 CAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGATACATATTTGAATGT

4021 ATTTAGAAAAATAAACAAATAGGGGTTCCGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTG