pH-rpl29-B

Plasmid Bluescript KS+ with 330 bases of HHFI promoter starting at 712, rpL29 starts at 1044, and BTU2 termination region at 1494. Cassette inserted at EcoRI site, lost Hind III site and surrounding bases. Gives cycloheximide resistance

1 AAATTGTAAACGTTAATATTTTGTTAAAATTCGCGTTAAATTTTTGTTAAATCAGCTCAT

 61 TTTTTAACCAATAGGCCGAAATCGGCAAAATCCCTTATAAATCAAAAGAATAGACCGAGA

 121 TAGGGTTGAGTGTTGTTCCAGTTTGGAACAAGAGTCCACTATTAAAGAACGTGGACTCCA

 181 ACGTCAAAGGGCGAAAAACCGTCTATCAGGGCGATGGCCCACTACGTGAACCATCACCCT

 241 AATCAAGTTTTTTGGGGTCGAGGTGCCGTAAAGCACTAAATCGGAACCCTAAAGGGAGCC

 301 CCCGATTTAGAGCTTGACGGGGAAAGCCGGCGAACGTGGCGAGAAAGGAAGGGAAGAAAG

 361 CGAAAGGAGCGGGCGCTAGGGCGCTGGCAAGTGTAGCGGTCACGCTGCGCGTAACCACCA

 421 CACCCGCCGCGCTTAATGCGCCGCTACAGGGCGCGTCCCATTCGCCATTCAGGCTGCGCA

 481 ACTGTTGGGAAGGGCGATCGGTGCGGGCCTCTTCGCTATTACGCCAGCTGGCGAAAGGGG

 541 GATGTGCTGCAAGGCGATTAAGTTGGGTAACGCCAGGGTTTTCCCAGTCACGACGTTGTA

 601 AAACGACGGCCAGTGAATTGTAATACGACTCACTATAGGGCGAATTGGAGCTCCACCGCG

 661 GTGGCGGCCGCTCTAGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGGAATTCGACCATATCTTCA

 721 AAGTATGGATTAATTATTTCAAATTATTAGAAGGTAATTAATCTGCATAAATTCAAAACT

 781 ATAAAAATAAAACATTAAAATTAATTCAACCTTATTGAAGCATCAAAATCTGAATCTCTA

 841 GAAAGACTGATTCTGATTGGATAATTTTTCGGCGCTAAGGATTTTGGATTAAAGAAAATT

 901 AGATTTAATTATTAATCATGATTTGAATAGGATAGCAAGAATATTTGTTTGGTTTAAAAG

 961 GGAAAGCGGGTAATTATCAAAAATTTATAAATAATTTTAAAACAATAAATAGAAAAACAA

 1021 ATAAGATTATAAAAACTTACAAAAATGGTATCTCACTTAAAGAAGACTAGAAAGTTGAGA

 1081 GGTCACGTCTCTCACGGTCACGGTAGAGTCGGAAAGCACAGAAAGGGTGGTTGCAGAGGT

 1141 GGTCGTGGTAAGGCCGGTGGTAAGCATCATCACAGAATCTTGATGGAAAAGTGGCATCCT

 1201 GGCTACTACGGAAAGTTGGGTATGAGAACCTTCCACTTAAAGAAGAACCCTCTCCACTGC

 1261 CCCGTTGTTAATATCGACAAGCTCTGGAGTTTGGTTTCTGATGCTACCAGACAAAAGTAC

 1321 GCTGAAGATAAGAAGAAGGTCCCCGTTATTGATGTTACCAAGGCTGGTTTCTTCAAGGTT

 1381 TTGGGTAAGGGTAGACTCCCCAACCAACCTGTCGTTGTTAAGGCTAAATACTTCTCCAAG

 1441 ACTGCTGAAAGAAGAATCGTCGCTGTCGGTGGTGCTTGCGTCCTCACTGCTTGAGATCCT

 1501 TAAATTAAAAATTCAATATATATTTTACAAACTTTCATATAAAATAAATATATTATATAA

 1561 AATTAATTTTTAGTGTATTATATTAACATTAAAGCACCAAAAAAACGTGTTAATATACTA

 1621 CTATAAAATATAATTTATTCCAAATTGACTAAAATCATTATTTTACAACTCATTTGTATA

 1681 TATATTTTATGTCAATTATTTTTTTTAACTTTCTAAAAAAAAAAATTCCTCTTCACATAC

 1741 ATGTTAGCTCTTAAAAATTTGTCTGCAAATCCAATAATAATATTTTTTTTTGCCATTAAA

 1801 TTTTCAAATTTTTACTGGAAAAATGCAGCCCTCAACGTTATCGATACCGTCGACCTCGAG

 1861 GGGGGGCCCGGTACCAGCTTTTGTTCCCTTTAGTGAGGGTTAATTTCGAGCTTGGCGTAA

 1921 TCATGGTCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATA

 1981 CGAGCCGGAAGCATAAAGTGTAAAGCCTGGGGTGCCTAATGAGTGAGCTAACTCACATTA

 2041 ATTGCGTTGCGCTCACTGCCCGCTTTCCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTAA

 2101 TGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTGCGTATTGGGCGCTCTTCCGCTTCCTCG

 2161 CTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTTCGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAG

 2221 GCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAA

 2281 GGCCAGCAAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTC

 2341 CGCCCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACA

 2401 GGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCG

 2461 ACCCTGCCGCTTACCGGATACCTGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCT

 2521 CATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGT

 2581 GTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCGACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAG

 2641 TCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAACAGGATTAGC

 2701 AGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTACGGCTAC

 2761 ACTAGAAGGACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAAGA

 2821 GTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTGTTTGC

 2881 AAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACG

 2941 GGGTCTGACGCTCAGTGGAACGAAAACTCACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCA

 3001 AAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTAAATTAAAAATGAAGTTTTAAATCAATCTAAAGT

 3061 ATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCA

 3121 GCGATCTGTCTATTTCGTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACG

 3181 ATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCA

 3241 CCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGT

 3301 CCTGCAACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAGTAAGT

 3361 AGTTCGCCAGTTAATAGTTTGCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCA

 3421 CGCTCGTCGTTTGGTATGGCTTCATTCAGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACA

 3481 TGATCCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCTTCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGA

 3541 AGTAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCATAATTCTCTTACT

 3601 GTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTCTGA

 3661 GAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATACGGGATAATACCGCG

 3721 CCACATAGCAGAACTTTAAAAGTGCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTC

 3781 TCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGA

 3841 TCTTCAGCATCTTTTACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAAT

 3901 GCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACTCATACTCTTCCTTTTT

 3961 CAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGATACATATTTGAATGT

 4021 ATTTAGAAAAATAAACAAATAGGGGTTCCGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTG